

# Profesní životopis

**Jméno a příjmení:** Mgr. Jan Smetana, Ph.D  
**Datum narození:** 30. 11. 1982  
**Adresa:** Stojanova 14, Brno, 60200  
**Telefon:** +420 723 994 704  
**E-mail:** smetty@volny.cz

## PRACOVNÍ ZKUŠENOSTI

### **2015 - 1.3. 2016 Sanatorium Repromeda**

Odborný pracovník v laboratoři reprodukční genetiky odpovědný za molekulárně cytogenetické analýzy

### **2013 - 2014 Reprofit International**

Odborný pracovník zodpovědný za zavedení a rutinní praxi preimplantačního genetického screeningu embryí pomocí technologie array-CGH mikročipů Agilent

### **2007 – 2015 Integrované laboratoře Babákova myelomové skupiny a Ústavu experimentální biologie PřF MU v Brně**

Pozice: odborný pracovník a specialista pro molekulární cytogenetiku a genomiku mnohočetného myelomu

Od roku 2014 jako postdoc ve funkci zástupce vedoucího laboratoří

### **2014 – dosud**

Externí konzultant Spadia Lab a.s. pro technologie celogenomových analýz a klinickou genetiku

### **2013 – dosud**

Externí konzultant pro OLG FN Brno klinickou genetiku a array-CGH technologii

### **2012 - dosud**

Externí konzultant firmy HPST s.r.o pro technologii Agilent DNA mikročipů

Reference k dispozici na požádání

## DOSAŽENÉ VZDĚLÁNÍ

### **2006 – 2008** *Přírodovědecká fakulta Masarykovy univerzity v Brně*

Studijní program Biologie, obor Molekulární biologie a genetika, ukončeno státní magisterskou zkouškou

### **2008 – 2014** *Přírodovědecká fakulta Masarykovy univerzity v Brně*

Studijní program Obecná a molekulární genetika, doktorský studijní program, zakončen státní doktorskou zkouškou

## **PRACOVNÍ STÁŽE A SPECIÁLNÍ KURZY**

### **1.2. 2010 – 31. 10. 2010**

Odborná stáž na Mayo Clinic Arizona, Scottsdale, Oddělení Hematologie / Onkologie, laboratoř pro výzkum mnohočetného myelomu – zaměření na aplikace technik celogenomového screeningu u pacientů s hematologickými malignitami

(<http://www.mayo.edu/research/labs/multiple-myeloma-lab/overview>)

### **2012**

*Institut postgraduálního vzdělávání ve zdravotnictví (IPVZ)*

Osvědčení o odborné způsobilosti k výkonu zdravotnického povolání podle § 51 a 52 zákona č. 96/2004 Sb. v oboru Odborný pracovník v laboratorních metodách a v přípravě léčivých přípravků

### **2013**

*ION PGM SYSTEM WORKFLOW TRAINING – Darmstadt, Germany.*

3 denní specializační kurz zaměřený na sekvenční analýzy na systému Ion Torrent PGM se zaměřením na klinické analýzy a preimplantační genetickou diagnostiku / screenin

### **2016**

*PŘÍZNÁNÍ SPECIALIZOVANÉ ZPŮSOBILOSTI V OBORU KLINICKÉHO BIOANALYTIKA PRO KLINICKOU GENETIKU PODLE § 56 ZÁKONA 96/2004.*

## **VĚDECKÁ ČINNOST**

*Spoluřešitel grantů a projektů:*

IGA NT13190, NT12130, and NT13492 NT 11089-4/2010 and OPVK CZ.1.07/2.3.00/20.0183

*Přijaté publikace*

1. Kuglík P, Smetana J, Němcová D et al. *First experiences with preimplantation genetic screening of chromosomal aberrations using oligonucleotide-based array comparative genomic hybridization.* Cas Lek Cesk. 2015;154(3):127-31.
2. Kuglík P, Kasikova K, Smetana J et al. *Molecular cytogenetic analyses of hTERT (3q26) and MYC (8q24) genes amplifications in correlation with oncogenic human papillomavirus infection in Czech patients with cervical intraepithelial neoplasia and cervical carcinomas.* Neoplasma. 2015;62(1):130-9.
3. Kuglík P, Smetana J, Vallova V et al. *Genome-wide screening of DNA copy number alterations in cervical carcinoma patients with CGH+SNP microarrays and HPV-FISH.* Int J Clin Exp Pathol. 2014 Jul 15;7(8):5071-82. eCollection 2014.
4. Smetana J., Greslikova H, Kupska R. et al. *Clonal cytogenetics changes in progression of multiple myeloma to extramedullary relapse and plasmocellular leukemia – case report.* . Int J Clin Exp Pathol., in press.
5. Kuglík P, Smetana J, Vallova V et al. *Genome-wide screening of DNA copy number alterations in cervical carcinoma patients with CGH+SNP microarrays and HPV-FISH.* Int J Clin Exp Pathol. 2014 Jul 15;7(8):5071-82. eCollection 2014.
6. Smetana J, Frohlich J, Zaoralova R et al. *Genome-wide screening of cytogenetic abnormalities in multiple myeloma patients using array-CGH technique: a Czech multicenter experience.* Biomed Res Int. 2014;2014:209670. doi: 10.1155/2014/209670. Epub 2014 Jun 2.
7. Smetana J, Dementyeva E, Kryukov F et al. *Incidence of cytogenetic aberrations in two B lineage subpopulations in multiple myeloma patients analyzed by combination of whole-genome profiling and FISH.* Neoplasma. 2014;61(1):48-55.

8. Kryukov F, Dementyeva E, Smetana J, et al. *Association of aneuploidy category with centrosome amplification in multiple myeloma*. Leuk Lymphoma. 2011 Oct;52(10):2020-2. doi: 10.3109/10428194.2011.587561. Epub 2011 Jun 3. No abstract available.
9. Nemeč P, Zemanova Z, Greslikova H et al. R. *Gain of 1q21 is an unfavorable genetic prognostic factor for multiple myeloma patients treated with high-dose chemotherapy*. Biol Blood Marrow Transplant. 2010 Apr;16(4):548-54. doi: 10.1016/j.bbmt.2009.11.025. Epub 2010 Jan 18.

**DOVEDNOSTI:**

Anglický jazyk – aktivní, slovem i písmem

Německý jazyk – pasivní

ŘP – sk. A, B

PC- Windows, MS Office, HTML

*V Brně dne 1.8. 2016*